

Préservation d'échantillons fécaux en deux étapes pour l'analyse d'ADN

Matériels nécessaire:

Tubes de 50 ml contenant des billes de gel de silice et surmontée d'un kimwipe
Ethanol à 97% (provenant de la pharmacie,), l'éthanol à 90% peut également être utilisé.
Tubes vides de 50 ml

Préparation:

1. Verser environ 30 ml d'éthanol dans les tubes vides avant la collecte de l'échantillon.

Collection:

2. Recueillir chaque échantillon fécal (5 g - approximativement la taille d'une noix) dans le tube contenant les 30 ml d'éthanol.
3. Étiqueter le tube (mais garder à l'esprit que ce tube sera jeté plus tard).

*** Cela arrive rarement, mais les tubes contenant de l'éthanol peuvent parfois fuir et l'écriture sur le tube peut s'effacer. Il est donc préférable de mettre seulement quelques tubes contenant de l'éthanol ensemble dans un sac en plastique pour minimiser les potentielles pertes d'information. ***

Transfert (le lendemain):

4. L'échantillon fécale va soit maintenir sa forme et sa structure (bol fécal), soit va être dissipés dans l'éthanol en formant une boue.
5. Versez délicatement à l'extérieur du tube autant d'éthanol que possible (le but étant de ne garder dans le tube que l'échantillon fécal)
 - a. Si le bol fécal est intact, il devrait être simple de verser la totalité de l'éthanol dans la poubelle. Transférer seulement la matière fécale sur le kimwipe dans le tube de silice, et fermer bien le couvercle.
 - b. Si une boue s'est formée, laissez la boue se déposer au fond du tube et décanter (verser) ensuite autant d'éthanol que possible (ca ne pose pas de problème si un peu de boue est perdue à cette étape). Ensuite, transférer la boue sur le kimwipe dans le tube de silice, fermer bien le couvercle.
6. Le tube doit être étiqueté, avec un identifiant unique et la date (position GPS, nom de collecteur, espèces collectée, site de la collecte, si possible).
7. Garder les tubes fermés contenant l'échantillon fécal avec la silice à température ambiante.
8. Tous les échantillons et les informations associées doivent être enregistrés dans un tableau et ce tableau doit être envoyé avec les échantillons.

Référence:

Nsubuga AM, Robbins MM, Roeder A, Morin P, Boesch C and Vigilant L (2004) Factors affecting the amount of genomic DNA extracted from ape feces and the identification of an improved sample storage method. *Molecular Ecology* 13: 2089-2094.